

This is to certify that the following application annexed hereto is a true copy from the records of the Korean Intellectual Property Office.

출 원 번 호

10-2004-0006185

Application Number

출 원 년 월 일 Date of Application 2004년 01월 30일

JAN 30, 2004

출 원 Applicant(s) 인 : 주식회사 라이프엔자 LIFENZA CO., LTD.



2005 년 01 월 12 일

-투 허 청

COMMISSIONER REMIRES

PRIORITY DOCUMENT

SUBMITTED OR TRANSMITTED IN COMPLIANCE WITH RULE 17.1(a) OR (b)



【서지사항】

【서류명】 출원인 변경 신고서

【수신처】 특허·청장

【제출일자】 2004.07.13

【구명의인(양도인)】

【성명】 김도만

【출원인코드】 4-1998-045445-7

【사건과의 관계】 출원인

【신명의인(양수인)】

【명칭】 주식회사 라이프엔자

【출원인코드】 1-2000-028875-1

【대리인】

【명칭】 특허법인씨엔에스

【대리인코드】 9-2003-100065-1

【지정된변리사】 손원 염승윤

【포괄위임등록번호】 2003--045937-3

【포괄위임등록번호】 2004-048046-1

【사건의 표시】

【출원번호】 10-2004-0006185

【출원일자】2004.01.30【심사청구일자】2004.01.30

【발명의 명칭】 무탠 , 이눌린 및 레반을 분해하는 단백질, 그 단백

질을 코딩하는 유전자, 그 발현 세포 및 상기 단백

질의 생산 방법

【사건의 표시】

【출원번호】 10-2004-0006186

【출원일자】2004.01.30【심사청구일자】2004.01.30

【발명의 명칭】 아밀로펙틴 , 전분, 글리코겐 및 아밀로즈 분해활성

을 갖는 단백질, 그 단백질을 코딩하는 유전자, 그

발현 세포 및 상기 단백질의 생산방법

【변경원인】. 전부양도



[취지]

특허법 제38조제4항 실용신안법 제20조 의장법 제

24조 및 상표법 제12조 제1항의 규정에 의하여 위와

같이 신고합니다. 대리인

특허법인씨엔에스 (인)

【수수료】 -

26,000 원

【첨부서류】

1. 양도증_2통 2.인감증명서_1통



【서지사항】

【서류명】 특허출원서

【권리구분】 특허

【수신처】 특허청장

【참조번호】 0002

【제출일자】2004.01.30【국제특허분류】C12N 1/16

【발명의 명칭】 무탠 , 이눌린 및 레반을 분해하는 단백질, 그 단백질을 코딩하

는 유전자, 그 발현 세포 및 상기 단백질의 생산 방법

【발명의 영문명칭】 Protein with the hydrolysis of mutan, inulin and levan, gene

encoding said protein, the expressing host cell and methods

for producing said protein

【출원인】

【성명】 김도만

【출원인코드】 4-1998-045445-7

【대리인】

【명칭】 특허법인씨엔에스

【대리인코드】 9-2003-100065-1

【지정된변리사】 손원 ,염승윤

【포괄위임등록번호】 2003-045937-3

【발명자】

【성명】 김도만

【출원인코드】 4-1998-045445-7

【발명자】

【성명의 국문표기】 강희경

【성명의 영문표기】KANG, Hee Kyoung【주민등록번호】740129-2932346

【우편번호】 506-010

【주소】 광주광역시 광산구 송정동 라인2차아파트 105동 803호

【국적】 KR

【발명자】

【성명의 국문표기】 이진하

【성명의 영문표기】 LEE, Jin Ha

[주민등록번호] 730521-2559913

【우편번호】

502-801

【주소】

광주광역시 서구 광천동 576-10번지

【국적】

KR

【심사청구】

청구

【미생물기탁】

【기탁기관명】

한국 생명공학연구소 유전자원센터 유전자은행

【수탁번호】

KCTC 10574BP

【수탁일자】

2003.12.24

【핵산염기 및 아미노산 서열목록】

【서열개수】

4

【서열목록의 전자파일】

첨부

【취지】

특허법 제42조의 규정에 의한 출원, 특허법 제60조의 규정에 의

한 출원심사 를 청구합니다. 대리인

특허법인씨엔에스 (인)

【수수료】

【기본출원료】

30

0

10

면

38,000 원

【가산출원료】

0 면

0 원

【우선권주장료】

건

0 원

【심사청구료】

항

429,000 원

【합계】

467,000 원

【감면사유】

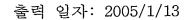
개인 (70%감면)

【감면후 수수료】

140,100 원

【첨부서류】

1. 미생물기탁증명서_1통





【요약서】

【요약】

본 발명은 뮤탠, 이눌린 및 레반을 분해하는 효소에 관한 것으로, 서열 목록 1의 아미노산을 포함하는 단백질 또는 그것의 변이체, 이들의 단편으로써 텍스트란 분해활성, 전분 분해활성을 가지며, 불용성 글루칸인 뮤탠, 이눌린 및 레반을 분해하는 효소, 그 효소를 코딩하는 유전자, 상기 유전자를 발현하는 형질전환된 세포를 제공한다. 또한 본 발명은 상기의 세포를 배양하는 단계, 상기 배양된 세포에서 효소를 발현하는 단계 및 발현된 효소를 정제하는 단계를 포함하는 텍스트라네이즈 활성을 가지며 전분과 불용성 글루칸인 뮤탠, 그리고 이눌린과 레반을 분해하는 효소의 생산 방법과 상기의 방법에 의해 생산된 효소 및 그 효소를 포함하는 조성물을 제공한다.

본 발명에 의해 제공되는 효소는 우수한 플라크 형성 억제능과 플라크 분해능을 가져 치태제거나 구강세정용으로 유용하며 또한 우수한 덱스트란 분해능을 가져 설탕 제조시 덱스트란 제거용으로도 유용하게 사용될 수 있다.

【대표도】

도 1a

【색인어】

리포마이세스 스타케이, 플라크, 덱스트란, 뮤탠, 이눌린, 레반



【명세서】

【발명의 명칭】

뮤탠, 이눌린 및 레반을 분해하는 단백질, 그 단백질을 코딩하는 유전자, 그 발현 세포 및 상기 단백질의 생산 방법{Protein with the hydrolysis of mutan, inulin and levan, gene encoding said protein, the expressing host cell and methods for producing said protein} 【도면의 간단한 설명】

도 1a, b는 리포마이세스 스타케이(*Lipomyces starkeyi*)에서 분리한 본원발명의 LSD1 탄수화물 가수분해효소의 아미노산 서열 및, 이를 코딩하는 2052 bp의 cDNA 단편의염기서열이다(이중 밑줄친 곳은 벡터에 클로닝하기 위한 PCR 프라이머 부분임).

도 2는 본원발명의 탄수화물 가수 분해 효소(LSD)의 활성 및 안정성에 대한 pH의 영향을 나타낸 것이다.

도 3은 본원발명의 탄수화물 가수 분해 효소(LSD)의 활성 및 안정성에 대한 온도의 영향을 나타낸 것이다.

도 4는 재조합 클론 pYLSD1에 의해 생산된 본원발명의 탄수화물 가수 분해 효소를 사용하여 글루칸인 텍스트란, 전분과 뮤탠 그리고 플락탄인 레반과 이눌린을 가수분해한 TLC 결과를 나타낸 것이다(사진에서 Mn은 일련의 말토텍스트린(maltodextrin)을, IMn은 일련의 이소말토텍스트린(isomaltodextrin)을 표시하며, E는 효소액이며, 1-5 레인은 효소를 실활시킨 후 기질 반응 시킨 것이며, 6-10 레인은 효소와 각 기질을 반응시킨 것이다. 1과 6 레인은 전분과효소의 반응액을 보여주며, 2과 7 레인은 텍스트란과 효소 반응액 이며, 3과 8 레인은 뮤탠과



효소 반응액을 보여 준다. 4와 9 레인은 레반과 효소 반응액을 보여주고, 5과 10 레인은 이눌 린과 효소 반응액을 보여준다.).

도 5는 본원발명의 효소의 하이드록시아파타이트에 대한 결합성을 페니실린움에서 추출 한 덱스트라네이즈와 비교한 결과를 그래프로 나타낸 것이다.

【발명의 상세한 설명】

【발명의 목적】

【발명이 속하는 기술분야 및 그 분야의 종래기술】

본 발명은 텍스트란 분해활성, 전분 분해 활성을 가지며, 불용성 글루칸인 뮤텐, 이눌린 및 레반을 분해하는 효소, 그 효소를 코딩하는 유전자, 그 발현 세포 및 상기 효소의 생산 방법에 관한 것이다. 보다 상세하게 본 발명은 플라크 형성 억제능과 플라크 분해능을 가져 치태제거나 구강세정용으로 유용하며 또한 우수한 텍스트란 분해능을 가져 설탕 제조시 텍스트란제거용으로도 유용한 효소, 그 효소를 코딩하는 유전자, 그 발현 세포 및 상기 효소의 생산 방법에 관한 것이다.

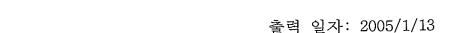
② 일반적으로 치아 표면에 형성되는 막(플라크)은 치밀하게 팩킹된 세균과 비 세포성 물질로 이루어진다. 플라크의 주요 다당 성분은 물에 녹지 않는 글루칸(불용성 글루칸) 또는 뮤탠 (mutan)으로, 플라크 건조총량의 약 20%를 차지하며, 충치를 유발시키는 주요 원인 중 하나이다. 스트렙토코커스 뮤탠스(Streptococcus mutans)에 의해 생산되는 글루칸의 구조 연구를 통해 불용성 글루칸은 주로 알파-1,3, 알파-1,4, 알파-1,6-D-글루코사이드 결합으로 이루어진다



는 것이 보고되었다. 따라서 플라크를 효과적으로 제거하기 위해서는 뮤탠 분해 활성, 전분분해 활성 및 덱스트란 분해활성이 필요하다.

- ** 종래에는 플라크 형성이나 충치를 억제하기 위한 방법으로 스트렙토코커스 뮤탠스(

 Streptococcus mutans)(이하, S. mutans)의 성장을 억제하는 방법이 제시되었으며, 이를 위하여 S. mutans 성장을 억제하는 항생물질이나 불소와 같은 화합물을 치약이나 구강세정제와 같은 구강용 제품에 포함시켜 사용하는 것이 제시되었다. 대표적인 항 충치용 화합물로 사용되는 불소는 충치 유발균의 성장을 억제하는 효과는 있으나 매우 낮은 농도에서도 반상치(치아의에나멜질에 흰 반점이 생기는 현상), 강한 독성과 대기오염등의 부작용이 심하다. 텍스트라네이즈와 같은 효소로도 충치 억제를 시도하고 있으나 그 효과는 아직 불분명하다.
- 이 미국특허 5,741,773에는 항플라크 및 항충치 활성이 있는 글라이코매크로펩타이드를 함유하는 치약 조성물을 제공하고 있다. 그러나, 이 특허는 단지 항충치의 박테리아 공급원의 성장석제에 관한 것이며, 플라크 형성 억제나 이미 형성된 플라크의 분해는 제시하지 못하였다.
- 전편 플라크의 형성 억제와 이미 형성된 플라크의 분해를 위하여 다양한 구조의 다당을 분해하는 텍사메이즈 효소를 이용하고자 제안된 연구가 본 발명자에 의해 제안된 바 있다(국내특허 등록 10-0358376; 미국특허 6,485,953). 상기 특허에는 다양한 다당을 분해하는 효소를 생산하는 미생물(Lipomyces starkeyi KFCC-11077)과 그 효소 및 이를 포함하는 조성물에 관한 내용이 기술되어 있다.
- <11> 하지만, 플라크 형성을 효과적으로 억제시킬 수 있고, 보다 우수한 플라크 분해효과를 갖는 새로운 효소가 계속 요구되고 있는 실정이다.





<12> 또한 본 발명자들은 상기 특허(국내특허 등록 10-0358376)에서 사용하는 미생물(Lipomyces starkeyi KFCC-11077)로부터 얻어진 효소, 즉 덱사메이즈 효소는 우수한 덱스트란 분해능을 가져 설탕 제조시 덱스트란 제거용으로 유용하게 사용될 수 있음을 제시한 바 있다(대한민국 특허출원 10-2001-48442).

<13> 이에 따라 보다 우수한 플라크 형성 억제능과 플라크 분해능을 가지며, 바람직하게는 설탕 제조시 텍스트란 제거용으로도 사용될 수 있는 우수한 텍스트란 분해능을 나타내는 새로운 효소를 개발할 필요가 있다.

【발명이 이루고자 하는 기술적 과제】

본 발명은 상기한 문제점을 해결하고, 상기의 필요성에 의하여 개발된 것으로서, 본 발명의 목적은 플라크 형성을 억제하거나 플라크를 분해하는 활성을 가지며 우수한 덱스트란 분해능을 나타내는 새로운 효소 및 그 효소를 코딩하는 유전자를 제공하는 것이다.

- <15> 본 발명의 다른 목적은 상기 유전자를 생산하는 균주를 제공하는 것이다.
- <16>본 발명의 또 다른 목적은 상기의 효소 및 유전자를 생산하는 방법을 제공하는 것이다.
- <17> 본 발명의 또 다른 목적은 상기의 효소를 포함하는 산업적으로 유용한 조성물을 제공하는 것이다.

【발명의 구성 및 작용】

<18> 상기의 목적을 달성하기 위하여, 본 발명은 서열 목록 1의 아미노산을 포함하는 단백질, 이의 변이체, 또는 이들의 단편으로써 덱스트란 분해활성, 전분 분해 활성, 프락탄 분해 활성 을 가지며 불용성 글루칸인 뮤탠, 이눌린 및 레반을 분해하는 효소를 제공한다.



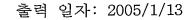
또한 본 발명은 상기 단백질 또는 그것의 변이체, 이들의 단편을 코딩하는 서열 목록 2의 유전자, 그 변이체, 또는 그 단편을 제공한다.

<20> 또한 본 발명은 상기 유전자를 발현하는 형질전환된 세포를 제공한다.

또한 본 발명은 상기의 세포를 배양하는 단계, 상기 배양된 세포에서 효소를 발현하는 단계 및 발현된 효소를 정제하는 단계를 포함하는 정제된 덱스트라네이즈 활성을 가지며, 전분 , 불용성 글루칸인 뮤탠 그리고 이눌린과 레반을 분해하는 효소의 생산 방법과 상기의 방법에 의해 생산된 효소 및 그 효소를 포함하는 조성물을 제공한다.

<22> 이하, 본 발명을 상세히 설명한다.

본 발명의 탄수화물 가수 분해 효소 (혹은 대표적으로 글리카네이즈; LSD) 유전자를 얻기 위하여, 리포마이세스 스타케이(L. starkeyi)를 텍스트란이 첨가된 배지에서 배양한 후 얻은 폴리(A)+ RNA를 분리하였고, 여기에서 지금까지 알려진 텍스트란 분해 효소의 유전자의 공통되는 아미노산의 정보를 이용하여 글리카네이즈의 예상되는 보존 부위(conserved region)의 프라이머를 제작, PCR을 통해 약 1.1 kb의 PCR 단편을 얻었다. 이 단편의 서열을 이용하여 5'RACE와 3' RACE를 통하여 완전한 텍스트라네이즈 유전자를 얻었다. 이 유전자를 다시 PCR을 통하여 사크로미세스 세레비지아에(S. cerevisiae) 벡터인 pYES2에 클로닝을 실시하였고, S. cerevisiae INVSc1으로 형질전환(transformation)을 시켜 형질전환체를 얻었다. S. cerevisiae 형질전환체는 블루 텍스트란과 갈락토오스(galactose)가 첨가된 배지에서 블루 텍스트란이 분해되어 분명한 헤이로우(halo)가 형성되는 클론 pYLSD1을 얻었다.





- 리포마이세스 스타케이(Lipomyces starkeyi, 이하, L. starkeyi라 함)는 덱스트란을 분 해하는 엔도-덱스트라네이즈(EC 3.2.1.11)와 전분을 분해하는 알파-아밀레이즈를 생산한다고 보고되었다. 이 미생물은 식품에 응용되고 있으며 항생물질이나 기타 독성 물질을 생산한다는 보고는 없다.
- (25) 몇몇 세균성 텍스트라네이즈를 제외하고는 미생물에 의해 생산되는 텍스트라네이즈는 일반적으로 유도성 효소로 알려져 있다. 본 발명자는 텍스트라네이즈 및 아밀레이즈 모두를 항상생산하는 L. starkeyi ATCC 74054를 보고한 바 있으며(미국특허 5, 229, 277), 이 미생물이생산하는 효소의 특성을 밝히면서 슈크로오스 및 전분을 사용하여 작은 크기의 텍스트란을 생산하는 것으로 보고하였다. 본 발명자는 Lipomyces starkeyi KFCC-11077을 이용하여 텍스트란과 전분을 동시에 분해할 수 있는 텍사메이즈 효소를 생산하는 미생물과, 이 미생물의 효소, 그리고 이 효소를 포함하는 조성물에 관한 특허를 등록하였다 (미국특허 6,485,953(2002.11.26), 국내특허 등록 10-0358376(2002.10.11)).
- 본 발명의 유전자(IsdI)로부터 생산되는 효소는 텍스트란을 분해할 뿐 아니라 전분, 불용성 글루칸인 뮤탠을 분해하는 효소이다. 본 발명에 따른 글리카네이즈는 텍스트란을 기질로 사용하였을 때 주로 글루코오스, 이소말토오스 및 이소말토트리아오스을 생산하고, 이외에 분지 5탄당 및 분지 6탄당을 생산한다.
- 본 발명에 따른 글리카네이즈 효소는 프락탄의 폴리머인 레반(levan)과 이눌린을 분해할수 있으므로 플라크 형성 성분인 프락탄(fructan)도 효과적으로 분해할 수 있다.
- (28) 따라서 본 발명에 따른 글리카네이즈 효소는 수용성 글루칸과 불용성 글루칸을 모두 효과적으로 분해한다. 또한 글루칸과 세균의 응집을 제해함으로써 플라크 형성을 억제하거나 형성된 플라크를 제거할 수 있으므로, 충치 예방에 효과적이다.





- <29> 치아의 구성 성분과 유사한 하이드록시아파테이트를 이용하여 효소의 결합 정도를 실험한 결과, 글리카네이즈는 하이드록시아파테이트에 대한 결합을 유지하는 특성을 보여 글리카네이 즈가 치아에 잔존 능력이 있음을 추정한다.
- 또한 본 발명은 글리카네이즈를 생산하는 유전자를 가지는 신규한 미생물에 관한 것이다. 본 발명에 따른 균주 사크로미세스 세레비지아에(Sacchromyces cerevisiae)는 2003년 12월 24일자로 대한민국 대전시 유성구에 있는 생명공학 연구소 유전자은행(KCTC)에 기탁하였 으며 기탁번호 KCTC10574BP를 부여받았다
- (31) 또한 본 발명은 글리카네이즈 효소를 생산하는 방법에 관한 것이다. 본 발명의 방법은 클론 pYLSD1을 배양하고, 여기서 세포를 회수하여 글래스 비드를 이용하여 세포를 깬 후 얻은 배양액으로부터 글리카네이즈 효소를 회수하는 것으로 이루어진다. pYLSD1로부터 얻은 글리카네이즈 효소와 *L. starkeyi* KFCC-11077에서 분리한 글리카네이즈의 특성은 실질적으로 동일하다.
- 본 발명에서 RNA 분리 및 글리카네이즈 유전자 선별을 위한 DNA 도너(donor)로 사용한 균은 Lipomyces starkeyi KFCC 11077로 구성적으로 텍스트라네이즈와 아밀레이즈의 활성을 갖 는 글리카네이즈를 생산한다.
- Color L. Starkeyi KFCC 11077은 28℃에서 호기적인 조건으로 LMD 배지를 이용하여 배양하였다. LMD 배지조성은 1%(w/v) 덱스트란, 1%(v/v) 미네랄 용액, 0.3%(w/v) 효모추출물이며, 미네랄 용액 조성은 2%(w/v) MgSO4·7H₂O, 0.1%(w/v) NaCl, 0.1%(w/v) FeSO4·7H₂O, 0.1%(w/v) MnSO₄



<35>

출력 일자: 2005/1/13

·H₂O, 0.13%(w/v) CaCl ₂· 2H₂O이다. Escherichia coli DH5 a 와 pGEM-T easy (Promega, USA) 플라스미드는 일반적인 DNA 작업과 염기서열 분석을 위해 이용하였다. S. cerevisiae INVSc1는 글리카네이즈를 발현하기 위한 pYLSD1의 숙주세포로 사용되었고, YPD 배지 (yeast extract 10g/l, peptone 20g/l and glucose 20g/l)에서 배양을 한다. S. cerevisiae 배양은 합성 덱스트로즈(SD), 합성 보체(SC) 그리고 YPD 배지를 사용하였다.

본 발명의 효소를 포함하는 조성물은 다양한 구강보호 제품, 예를 들어 치태제거, 구강 세정용 조성물, 치약 등에 사용될 수 있으며, 또한 본 발명의 효소는 텍스트란 및 아밀로오스와 같은 탄수화물 다당을 분해하는 능력을 가져 특히 설탕 제조시 텍스트란 제거용으로도 유용하게 사용될 수 있다. 또 본 발명의 효소를 포함하는 조성물은 껌, 음료, 유류 등의 식품에 응용될 수 있으며, 조성물의 구체적인 조성은 그것이 속하는 기술분야의 통상의 전문가에 의해어렵지 않게 조합하여 결정될 수 있을 것이다.

이하 실시예를 통하여 본 발명을 보다 상세히 설명한다.

<36> <u>실시예 1: *L. starkeyi*에서 poly(A)+ RNA 분리</u>

C. starkeyi KFCC-11077을 LMD 액체 배지에 접종하여 28℃, 36시간 배양한 후 지수성장기 중반에 다다르면, 원심분리(6,500 x g)를 통하여 세포 펠렛(pellet)을 얻었다. 세포 펠렛은 GIT용액[4M 구아니딘 이소싸이오시아네이트, 25mM 소디움 사이트레이트(pH 7.0)], 0.1%
 DEPC 처리한 증류수에 녹인 0.5% 라우로일사르코실(lauroylsarcosyl), 0.1M 2-멜캅토에탄올에



<38>

<39>

출력 일자: 2005/1/13

녹였고, 여기에 산으로 씻어준 글래스 비드와 동량의 페놀(pH 4.0)을 첨가하여 2분간 볼텍스한 후 원심분리하여 얻은 상층액을 이소프로판올을 첨가하여 전체 RNA를 침전시켰다. mRNA는 올리코텍스 레진(oligotex resin)를 이용하여, 형성된 oligotex-mRNA 복합체에서 분리하였다 (Oligotex mRNA kit, Qiagen).

실시예 2: LSD1의 RT-PCR 증폭

퍼스트 스트랜드 cDNA 합성은 변형된 올리고-dT 프라이머, T18NN

리한 0.5 g 의 전체 RNA를 역전사반응에 의해 준비하였다. 10㎖의 퍼스트 스트랜드 cDNA는 글리카네이즈를 코딩하는 염기서열의 일부를 증폭하는데 이용하였다. 디제네레이트 프라이머인 DC-F와 DC-R는 보고된 덱스트라네아제의 7개의 보존 부위에 의거하여 제작하였다. 펩타이드 서 열인 TWWH(D/N)(N/S/T) (보존 부위 I) 과 YKQVG(S/A) (보존 부위 V) 부분을 이용하여 각각의 프라이머 DC-F (5'-ACCTGGCA(T/C)AG(A/G)(A/T/G)(A/C)(C/A)-3')와 DC-R (5'-G(G/C)(C/T)(T/G)CC(G/C)ACCTGCTT(A/G)TA-3')를 제작하였고, 이 프라이머를 사용하여 PCR 을 실시하여 1.1 kb의 글리카네이즈 DNA의 단편(fragment)을 증폭하였다. PCR 산물은 AccPrepTM gel extraction kit (Bioneer, 한국)를 이용하여 아가로즈 겔에서 정제하였다. 정제 된 PCR 산물은 pGEM-T easy vector (Promega, 미국)에 라이게이션을 실시하였고, DNA 염기서열 분석을 한국기초과학연구소(KBSI)에 의뢰하였다. 글리카네이즈의 완전한 유전자를 얻기 위하 여 1.1 kb 유전자의 정보를 이용하여 cDNA의 완전한 크기의 글리카네이즈의 유전자를 얻었다. 이때 5'RACE (rapid amplification of cDNA ends)과 3'RACE를 실시하였는데, 5'full RACE Core Set와 3' full RACE Core Set (TaKaRa, 일본)를 사용하였다. 5'RACE를 통하여 5' 부분의 180



bp의 PCR 산물을 얻을 수 있었고, 3'RACE를 통해서 900 bp의 산물을 얻어 약 2 kb의 글리카네이즈 유전자(*IsdI*)를 얻었다.

<40> 실시예 3: 글리카네이즈 유전자의 염기 및 아미노산서열분석

역기서열분석 반응을 위한 프라즈미드 DNA는 알카라인 라이시스 방법에 의하여 준비하였다. 염기서열분석 반응은 GeneAmp 9600 thermal cycler DNA sequencing system(model 373-18, Applied Biosystems, USA)을 이용하여 ABI PRISM Cycle Sequencing Kit(Perkim Elmer Corp. USA.)를 이용하여 수행하였다. 서열분석 결과를 도 1, 그리고 서열 목록 1 및 2에 나타내었다.

(42) 글리카네이즈 유전자를 가지고 있는 DNA 단편의 염기서열은 1824 bp의 염기로 구성되어 진 하나의 오픈 리딩 프레임(ORF)을 가지고 있었다. 추정된 아미노산 서열은 확인된 염기서열 의 42번째 뉴클레오티드 위치의 시작 코돈(ATG)으로부터 1868 번째 위치의 종결 코돈(TGA)까지 위치한다. 구조 유전자의 아미노산은 608개로 구성되어 있고, 분자량은 계산에 의하면 67.6 kDa이다.

<43> 실시예 4: S. cerevisiae벡터인 pYLSD1 (pYES2-LSD1) 제작 및 S. cerevisiae로의 형질전 환 후 유전자 발현 균 선별



<45>

출력 일자: 2005/1/13

L. starkeyi를 YPD에 배양한 후 세포를 회수하고, 게노믹 DNA는 Schwartz and Cantor의 <44> 방법에 의거하여 분리하였다. 글리카네이즈 유전자(Isd1)에 해당하는 DNA 단편은 Taq DNA polymerase와 합성된 올리고뉴클레오타이드 프라이머 DX-F: 5'-GTCCCTTGAGCTCCCAAC-3'(서열목 록 3) 와 DX-R: 5'-TCAACTAGAATTCATGAACTTCC-3'(서열목록 4)를 이용하여 PCR를 수행하였다. DNA 증폭은 변성(94℃, 1분), 어닐링(52℃, 1분), 연장(72℃, 2분)을 30회 수행하였다. PCR 산 물은 pGEM- T easy vector에 라이게이션, 형질전환을 실시하였다. 여기서 얻은 플라스미드를 EcoRI으로 처리하여 PCR 산물을 얻었고, pYES2 벡터 (Invitrogen, USA) 또한 EcoRI으로 처리 하였다. 벡터인 경우 셀프-라이게이션을 방지하기 위하여 CIAP를 처리한 후 PCR 산물과 라이게 이션하고, 형질전환을 통해 클로닝을 실시하였고, 그 결과 pYLSD1을 제작하였다. S. cerevisiae로의 형질전환은 일렉트로포레이션 방법에 의해 수행하였다. 이때 SC 배지에서 자란 형질전환체는 유도배지(induction medium : 2% galactose, 0.3% blue dextran 함유하고 우라 실이 없는 SC)에서 선별한다. 플레이트는 30℃에서 2-6일간 배양을 하면 덱스트란이 가수분해 되어 콜로니 주변으로 환이 생성된다. 여기에서 블루 덱스트란이 가수분해되어 분명한 헤이로 가 형성되는 콜로니를 선별하고 클론 pYLSD1으로 명하였다.

실시예 5: 글리카네이즈 유전자 발현 균 선별

플레이트 상에서 활성이 있었던 클론들을 상등액 상에서의 활성을 확인하기 위하여, 갈락토오스(galactose) 유도(induction)를 실시하였다. 선별된 콜로니는 2%의 갈락토오스와 1% 포도당(glucose)이 첨가된 SC 액체배지 50 ml에 OD 600에서 1이 되도록 접종을 한 뒤 30℃에서 72시간 배양하였다. 세포는 원심분리(5000 rpm, 5 분)를 통해 회수하였고, 5 ml의 20mM 시트 레이트/포스페이트 버퍼(pH 5.5)에 녹였다. 0.45 mm 유리 비드 0.1 g을 첨가한 후 3분간 보텍



성을 실시하였다. 원심분리 (6000 rpm, 2 분) 후 세포내 단백질 추출물에서 상등액을 조심스럽게 회수하였다. 이 상등액에 존재하는 글루코오스, 이당, 그리고 올리고당을 제거하기 위하여 폴리에틸렌글리콜(PEG, MW=150,000-20,000)을 첨가하여 4℃에서 반응시켜 농축을 실시하였다. 이 PEG 농축액은 20mM 시트레이트/포스페이트 버퍼(pH 5.5)에 투석하였으며 원래의 양이 되도록 하였고, 이 투석액을 단백질 활성 측정을 위한 조효소액으로 사용하였다. 이 효소액을 1% 덱스트라네이즈과 1: 1로 혼합하여, 16시간동안 반응시킨 후 활성을 확인하였다.

<47> 실시예 6: 효소의 활성측정

<48>

환원 값(Reducing value)을 측정하기 위하여, 구리-바이신코나이네이트 (copper-bicinchoninate) 방법을 이용하였다. 즉, 100ℓℓℓ 구리-바이신코나이네이트 시약과 100ℓℓℓ의 효소 반응액을 첨가한 후 80℃에서 35분간 반응시킨 후 약 15분정도 냉각을 시켜준다. 그리고 나서 560nm에서 흡광도를 측정하였다. 글리카네이즈 효소의 텍스트라네이즈 활성은 2% 텍스트란을 포함하는 완충액에 효소액을 첨가하여 37℃에서 15분간 반응시켜 생성되는 이소말토오스 양을 측정하여 결정한다. 텍스트라네이즈 1 유니트는 텍스트란을 기질로 37℃에서 1분 반응시켰을 때 이소말토오스 1 μmol을 생성하는 효소량으로 정의된다.

49> 실시예 7: 글리카네이즈 효소의 pH, 온도에 대한 최적 활성과 안정성 측정

<50> 글리카네이즈 효소의 덱스트라네이즈 효소 활성의 최적 pH는 pH 4.1 - 7.7의 덱스트란 기질과 37℃에서 16 시간 반응시켜 덱스트라네이즈의 활성을 구리-바이신코나이네이트 방법을



사용하여 결정하였다. 효소의 pH 안정성은 각각의 버퍼에 효소를 넣어 22℃에서 3시간 방치한후, 측정하였다.

- 최소의 최적 활성 온도는 다양한 온도(10 60℃)에 효소를 16시간 넣어 둔 후, 반응 속
 도를 측정하여 결정하였으며 온도 안정성은 다양한 온도(10 60℃)에 효소를 3시간 넣어 둔
 후, 남은 활성도를 측정하여 구하였다.
- 택스트라네이즈 활성은 pH 5.5에서 최적 활성을 보였으며 활성은 pH 5.0-5.7에서 최적
 활성의 80%이상을 유지하였다(도 2, 표1).

<53> 【班 1】

글리카네이즈 활성 및	Ų 안정성에 대한 pH 효과 텍스트란 분해 활성
	텍스트란 분해 활성
적정 pH	5.5
안정한 pH 범위	5,0 - 5.7
한 10 전 PM 전기	3.0 3.7

- <54> 상기 표에서 안정한 pH 범위란 잔여활성이 초기 활성의 80% 이상인 것을 의미한다.
- <55> 최적의 효소 활성을 나타내는 온도는 37℃였으며, 37℃이하에서 초기 활성의 80% 이상을 유지하였다(도 3, 표2).



<56> 【班 2】

<58>

글리카네이즈 안정성에 대한 온도의	효과
	덱스트란 분해 활성
	·
	< 9.7
안정한 온도(℃)의 범위	≤37
,	

<57> 상기 표에서 안정한 온도의 범위란 잔여활성이 초기 활성의 80%이상인 것을 의미한다.

실시예 8:다양한 기질에 대한 덱스트란네이즈 효소의 분해 특성

59> 효소액의 여러 가지 기질에 대한 분해를 조사하였다. 텍스트란과 수용성 전분, 그리고, 글루칸 이외에 1% (w/v)의 다양한 구조의 고분자 중합체들의 수용액을 준비하여 효소농축액과 동량으로 혼합하여 37℃에서 16시간 반응 시킨 후, 가수분해 산물을 분석하였다. 고분자 중합 체들의 가수분해 확인에는 텍스트란, 전분, 레반(D-후럭토스(fructose)가 β-2,6으로 결합된 다당), 이눌린 (D-후럭토스가 β-2,1으로 결합된 다당), 뮤탠(D-글루코스가 α-1,3으로 결합된 다당)을 사용하였다.

<60> 덱스트란과의 기질 반응을 통해서는 주로 글루코스, 이소말토스, 이소말토트리오스, 이소말토 테드라오스를 각각 0.1%, 19.3%, 24.2%, 17.0% 생산하였으며 이밖에도 측쇄(branched) 올리고 사카라이드를 생산하였다. 따라서 글리카네이즈는 덱스트란 반응에 있어서 엔도-덱스트라네이



즈 형태의 반응을 하는 것으로 사료된다(도 4). 전분에 대한 분해능을 확인한 결과, 대부분 글 루코오스로 분해됨을 알 수 있었다.

<61> 클론 pYLDS1에서 생성된 글리카네이즈 효소의 분해 특성을 알아보기 위하여 다양한 구조의 고분자 중합체들과 효소를 반응시킨 결과, 뮤탠과 같은 α-1,3-D-글루코사이드 결합을 포함하는 고분자 중합체 뿐만 아니라, β-결합의 이눌린에 대한 가수분해 특성도 약하지만 확인할 수 있었다. 덱스트란 분해능을 100%로 환산하였을 때, 전분 분해능은 54%, 뮤탠은 8%, 레반은 3%, 이눌린은 7%의 분해능을 가짐을 알 수 있었다(표 3).



<62> 【班 3】

다양한 기질어 기질	에 대한 글리카네이즈 상대	<u>호소의 상대적 분해능</u> 적인 활성(%)
	모균 (<i>L. starkeyi</i>)의 글리카네이즈	
덱스트란	100	100
전분	92	54
뮤텐	16	8
레반	22	3
이눌린	18	7

<63> 실시예 9:하이드록시아파타이트(HA)에 대한 덱스트라네이즈 결합

칼슘 포스페이트 세라믹들은 직접적으로 뼈에 붙을 수 있는 능력 때문에 뼈의 대체 물질로 많이 이용되어지고 있다. 이중에서 하이드록시아파타이트(HA)는 뼈에 존재하는 천연 인회석들과 비슷한 많은 결정학적인 특성을 가지고 있어서 인공뼈와 치아 등의 연구에 있어 대체 물



질로 많이 이용이 되고 있다. HA에 대한 글리카네이즈의 결합성을 살펴보았다. 하이드록시아파타이트(Bio-Gel HTP, Bio-Rad Laboratories, Richmond CA)를 10 mM 포스페이트 버펴(pH 6.8)에 현탁하여 준비하였다. 글리카네이즈를 동일 완충용액에 용해하여 준비하였다. 200 ധ씨씩 HA와 효소를 혼합하여 60분 동안 흡착시켰다. 흡착되지 않은 효소를 씻어낸 후, 1 M NaCl을 포함한 10, 50, 100, 200, 300, 400, 500 mM 포스페이트 버퍼(pH 6.8)를 이용하여 단계적으로 흡착된효소를 용출시켰다. 용출된 효소 분획을 모아 글리카네이즈의 활성을 측정하였다.

또 5에서 보이는 것과 같이 글리카네이즈는 하이드록시아파타이트 300 mM에서 용출되었다. 또한 하이드록시아파타이트에 잔존하는 비율이 페니실리움에서 생산되는 덱스트라네이즈보다 높음을 알 수 있었다. 이 결과로부터 글리카네이즈는 하이드록시아파타이트에 대한 결합성이 강하여 치아에 오랫동안 머무를 수 있음을 보여 주었다.

생기한 구성에서 살펴본 바와 같이 본 발명의 Lipomyces starkeyi 에서 생산되는 글리카네이즈(EC 3.2.1.11)는 약 70 kDa 크기인 단일 단백질이고, PCR을 통해 얻은 DNA 염기서열 분석 결과, 1824 bp의 염기로 구성되어진 하나의 오픈 리딩 프레임(ORF)을 가지고 있었다. 추정된 구조 유전자의 아미노산은 608개로 구성되어 있고, 분자량은 약 67.6kDa이었다.

또 조효소액의 글리카네이즈의 텍스트란과의 반응 최종산물은 엔도-텍스트라네이즈의 전 형적인 산물이었다. 텍스트란 분해 활성은 주로 글루코스, 이소말토스, 이소말토트라이오스, 그리고 이소말토테드라오스를 각각 0.1%, 19.3%, 24.2%, 17.0% 생산하였고, 이밖에도 측쇄 펜 타사카라이드를 생산하였다. 또한 글리카네이즈의 다양한 탄수화물에 대한 분해 특성을 알아보 기 위해 여러 가지 구조의 고분자 중합체들과 효소를 반응시킨 결과, 뮤탠과 같은 α-1,3-D-글



루코사이드 결합을 포함하는 고분자 중합체 뿐만 아니라, β-결합의 레반과 이눌린과 같은 프 락탄에 대한 가수분해 특성도 보였다.

【발명의 효과】

본 발명에 의해 제공되는 효소는 우수한 플라크 형성 억제능과 플라크 분해능을 가져 치 태제거나 구강세정용으로 유용하며 또한 우수한 텍스트란 분해능을 가져 설탕 제조시 텍스트란 제거용으로도 유용하게 사용될 수 있다.



【특허청구범위】

【청구항 1】

덱스트란 및 전분 분해 활성을 가지며, 불용성 글루칸인 뮤탠, 이눌린 및 레반을 분해하는 특성을 갖는 서열 목록 1의 아미노산을 포함하는 단백질, 이의 변이체, 또는 이들의 단편.

【청구항 2】

제 1항의 단백질, 이의 변이체, 또는 이들의 단편을 코딩하는 서열 목록 2의 유전자, 이의 변이체, 또는 이들의 단편.

【청구항 3】

제 2항의 유전자, 이의 변이체, 또는 이들의 단편을 발현하는 형질전환된 세포.

【청구항 4】

제 3항에 있어서, 상기의 세포는 원핵 세포 또는 진핵세포인 것을 특징으로 하는 세포.

【청구항 5】

제 3항 또는 제 4항에 있어서, 상기 세포는 사크로미세스 세레비지아에(Sacchromyces cerevisiae) (KCTC10574BP, 2003. 12. 24)인 것을 특징으로 하는 세포.

【청구항 6】

- (a) 제 3항의 세포를 배양하는 단계;
- (b) 상기 배양된 세포에서 효소를 발현하는 단계; 및
- (c) 발현된 효소를 정제하는 단계를 포함하는 정제된 덱스트란 및 전분 분해활성과 불용 성 글루칸인 뮤텐, 이눌린 및 레반을 분해하는 효소의 생산 방법.



【청구항 7】

제 6항의 방법에 의해 생산된 효소.

【청구항 8】

제 7항의 효소를 포함하는 조성물.

【청구항 9】

제 8항에 있어서, 상기 조성물은 설탕 제조시 덱스트란 제거용으로 사용됨을 특징으로 하는 조성물.

【청구항 10】

제 8항에 있어서, 상기 조성물은 치태제거 또는 구강세정용으로 사용됨을 특징으로 하는 조성물.

【도면】

[도 1a]

- 1 tgggtgtgtccttgctctgccaacgttgttgattgttttcatgacattaatctacgtgc

 Met Thr Leu Ile Tyr Val
- 61 cttcaatatttacaatggtcccctcaatcacacggattgtactggttaacattctgttgg 7 Pro Scr IIc Phe Thr Met Val Pro Ser IIe Thr Arg IIe Val Leu Val Asn IIe Leu Leu
- 121 cgacgttggttttgggagctgcagtccttccacgagacaacagaactgtttgcgggagtc
 27 Ala Thr Leu Val Leu Gly Ala Ala Val Leu Pro Arg Asp Asn Arg Thr Val Cys Gly Ser
- 181 aactetgeacatggtggcacgacteeggegagataaacaceggtacteetgtacaggcag
 47 Gln Leu Cys Thr Trp Trp His Asp Ser Gly Glu Ile Asn Thr Gly Thr Pro Val Gln Ala
- 241 gaaacgttcgacaatcccgaaagtactctgtccatgtgagcctggcagaccgtaaccaat
 67 Gly Asn Val Arg Gln Ser Arg Lys Tyr Ser Val His Val Ser Leu Ala Asp Arg Asn Gln
- 301 tctacgactctttcgtatatgaatcgatacctaggaacggcaatggcagaatttattctc 87 Phc Tyr Asp Scr Phe Val Tyr Glu Ser Ile Pro Arg Asn Gly Asn Gly Arg Ile Tyr Ser
- 361 ccaccgacccacctaacagcaatacattgaatagtagcattgacgacggtatatcaatcg
 107 Pro Thr Asp Pro Pro Asn Ser Asn Thr Leu Asn Ser Ser Ile Asp Asp Gly Ile Ser Ile
- 421 aaccateteteggeateaacatggettggteecagttegaatatagacgagatgtegaca 127 Glu Pro Ser Leu Gly Ile Asn Met Ala Trp Ser Gln Phe Glu Tyr Arg Arg Asp Val Asp
- 481 ttaagattactacaatcgatggctcaatattggatggccctttggacattgttattcggc 147 lle Lys Ile Thr Thr Ile Asp Gly Ser Ile Leu Asp Gly Pro Leu Asp Ile Val Ile Arg
- 167 Pro Thr Scr Val Lys Tyr Scr Val Lys Arg Cys Val Gly Gly Ile Ile Ile Arg Val Pro
- 601 atgateceaatggtegaaaattetetgttgagttaaagagtgaeetttaeagttaeetet 187 Tyr Asp Pro Asn Gly Arg Lys Phe Ser Val Glu Leu Lys Ser Asp Leu Tyr Ser Tyr Leu
- 721 ccctggtgatctttgccagccctttcttgccacgggatatggttcctcatatgacaccac 227 Ala Leu Val Ile Phe Ala Ser Pro Phe Leu Pro Arg Asp Met Val Pro His Met Thr Pro
- 781 acgacaccagacaatgaagccgggcccaatcaataatggggactggggttcaaagccta 247 His Asp Thr Gln Thr Met Lys Pro Gly Pro Ile Asn Asn Gly Asp Trp Gly Ser Lys Pro
- 841 tactctacttcccgcctggcgtatactggatgaacgaggatacctctggtaaccccggga
 267 Ile Leu Tyr Phe Pro Pro Gly Val Tyr Trp Met Asn Glu Asp Thr Ser Gly Asn Pro Gly
- 901 agctcggctcaaatcatatgcggctggatcccaatacctactgggtccatctagccccag 287 Lys Leu Gly Ser Asn His Met Arg Leu Asp Pro Asn Thr Tyr Trp Val His Leu Ala Pro
- 961 gagcctatgtgaaaggagccattgagtatttcacgaagcaaaatttctatgcaacgggtc 307 Gly Ala Tyr Val Lys Gly Ala Ile Glu Tyr Phe Thr Lys Gln Asn Phe Tyr Ala Thr Gly
- 1021 atggcgttctctcaggtgagaactatgtttatcaggccaatgcagctgataactactatg
 327 His Gly Val Leu Ser Gly Glu Asn Tyr Val Tyr Gln Ala Asn Ala Ala Asp Asn Tyr Tyr
- 1081 ccgtcaagagtgatggcacaagcttgagaatgtggtggcacaacaaccttggaggcggtc
 347 Ala Val Lys Ser Asp Gly Thr Ser Leu Arg Met Trp Trp His Asn Asn Leu Gly Gly Gly
- 1141 aaacatggttttgcatggggcccaccattaatgcaccgccgtttaatacgatggacttca 367 Gln Thr Trp Phe Cys Met Gly Pro Thr Ile Asn Ala Pro Pro Phe Asn Thr Met Asp Phe
- 1201 acggaaactctaatatttccagccggattagtgactataagcaggttggcgcttattttt
 387 Asn Gly Asn Ser Asn Ile Ser Ser Arg Ile Ser Asp Tyr Lys Gln Val Gly Ala Tyr Phe
- 1261 tecaaacagacggacggagatetacgaggacagtgttgtecatgacgtettetggcatg
 407 Phe Gin Thr Asp Gly Pro Glu Ile Tyr Glu Asp Ser Val Val His Asp Val Phe Trp His
- 1321 ttaatgatgatgatcatcaagacatattattccggagcttcaatttcacgagcaaccatct



【도 1b】

427 Val Asn Asp Asp Ala Ile Lys Thr Tyr Tyr Ser Gly Ala Ser Ile Ser Arg Ala Thr Ile

1381 ggaggtgtcacaatgacccgatcatacagatgggctggacgtcacgaaatctcaccggaa
447 Trp Arg Cys His Asn Asp Pro Ile Ile Gln Met Gly Trp Thr Ser Arg Asn Leu Thr Gly

1441 tcagcattgataacctgcacgtcatccacacgagatatttcaaatctgaaacagtggttc
467 lle Ser Ile Asp Asn Leu His Val Ile His Thr Arg Tyr Phe Lys Ser Glu Thr Val Val

1501 cttcagcaatcattggagcgtctccattctacgcaagtggaatgactgttgatcccagcg
487 Pro Scr Ala Ile Ile Gly Ala Scr Pro Phe Tyr Ala Scr Gly Met Thr Val Asp Pro Scr

1561 agtccatcagcatgaccatctctaacgtggtgtgtgggggtctatgcccctcactgttcc 507 Glu Scr Iic Scr Met Thr IIe Scr Asn Val Val Cys Glu Gly Leu Cys Pro Scr Leu Phe

1621 gtatcactccgcttcagagctacaacaaccttgttgtcaagaacgtggcctttcccgatg
527 Arg Ilc Thr Pro Leu Gln Ser Tyr Asn Asn Leu Val Val Lys Asn Val Ala Phe Pro Asp

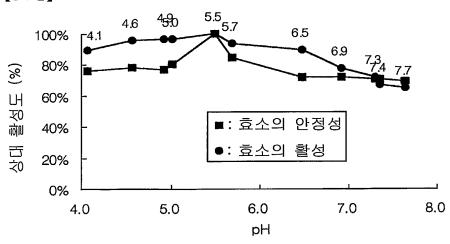
1681 gactgcagacaaatccaatcggaataggagagagattataccagcagcttccggctgta 547 Gly Leu Gln Thr Asn Pro Ile Gly Ile Gly Glu Ser Ile Ile Pro Ala Ala Ser Gly Cys

1741 caatggacttggaaatcacaaactggaccgtcaaaggacaaaaagtcaccatgcaaaact 567 Thr Met Asp Leu Glu Ile Thr Asn Trp Thr Val Lys Gly Gln Lys Val Thr Met Gln Asn

1801 ttcagtccgggtcacttggccagttcgatatcgatggttcatactggggtcaatggtcca 587 Phe Gin Ser Gly Ser Leu Gly Gin Phe Asp Ile Asp Gly Ser Tyr Trp Gly Gin Trp Ser

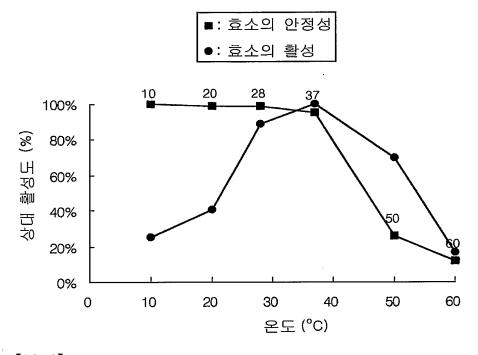
1861 taaac<u>taa</u>agetatteecatteacetgagtattttegtgggtteaatgagttettgttac 607 lle Asn $\,*\,$

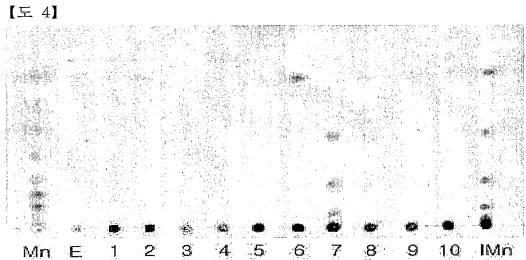
[도 2]



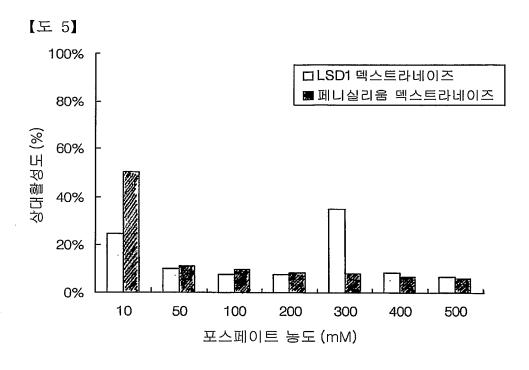


[도 3]









【서열목록】

<110> KIM, doman <120> Pr	otein with the hydrolysi	s of mutan, inulin and levan,
gene encoding said pro	tein, the expressing hos	t cell and methods for
producing said protein <160>	4 <170> KopatentIn 1	.71 <210> 1 <211> 608 <
212> PRT <213> Artificial	Sequence <220> <223>	S. cerevisiae/pYES2-LSD1 <400
> 1 Met Thr Leu Ile Tyr Val	Pro Ser Ile Phe Thr Met	Wal Pro Ser Ile 1
5 10	15 Thr Arg Ile V	Val Leu Val Asn Ile Leu Leu Ala
Thr Leu Val Leu Gly	20 25	30 Ala Ala
Val Leu Pro Arg Asp Asn Arg Thr	Val Cys Gly Ser Gln Leu	35
40 45 Cys Thr	Trp Trp His Asp Ser Gly	Glu Ile Asn Thr Gly Thr Pro
Val 50 55	60 Glr	n Ala Gly Asn Val Arg Gln Ser
Arg Lys Tyr Ser Val His Val Ser	65 70	75



80	Leu Ala	Asp	Arg	Asn	Gln	Phe	Tyr	Asp	Ser	Phe	Val	Tyr	Glu	Ser	Ile				
85				90					95	Pro	Arg	Asn	Gly	Asn	Gly	Arg	Ile	Tyr	Ser
Pro	Thr Asp	Pro	Pro	Asn				100					105					110	Ser
Asn	Thr Leu	Asn	Ser	Ser	Ile	Asp	Asp	Gly	Ile	Ser	Ile	Glu	Pro			115			
120				125	Sei	r Leı	ı G1	y I16	e Ası	n Met	Ala	a Trp	Ser	Glr	Phe	e Glu	Tyr	· Arg	Arg
Asp	130					135					140	Val	. Asp	I1e	Lys	: Ile	Thr	· Thr	Ile
Asp	Gly Ser	Ile	Leu	Asp	Gly	Pro	145					150					155		
160	Leu As	o Ile	e Val	l Ile	e Arg	g Pro	Th:	: Sei	· Val	Lys	Tyr	· Ser	· Val	Lys	Arg	[
165				170					175	Cys	Val	Gly	Gly	· Ile	: Ile	: Ile	Arg	yal	Pro
Tyr	Asp Pro	Asn	Gly	Arg				180					185					190	Lys
Phe	Ser Val	Glu	Leu	Lys	Ser	Asp	Leu	Tyr	Ser	Tyr	Leu	Ser	Asp			195			
200				205	Gly	7 Ser	Glr	ı Tyr	· Val	Thr	Ser	Gly	Gly	Ser	Val	Val	Gly	·Val	Glu
Pro	210					215					220	Lys	Asn	Ala	Leu	Val	Ile	Phe	Ala
Ser	Pro Phe	Leu	Pro	Arg	Asp	Met	225					230					235		
240	Val Pro	His	Met	Thr	Pro	His	Asp	Thr	Gln	Thr	Met	Lys	Pro	Gly	Pro				
245				250					255	Ile	Asn	Asn	Gly	Asp	Trp	Gly	Ser	Lys	Pro
Ile	Leu Tyr	Phe	Pro	Pro				260					265					270	Gly
Val	Tyr Trp	Met	Asn	Glu	Asp	Thr	Ser	Gly	Asn	Pro (Gly	Lys	Leu			275			
280				285	Gly	Ser	Asn	His	Met	Arg	Leu	Asp	Pro	Asn	Thr	Tyr	Trp	Val	His
Leu	290					295					300	Ala	Pro	Gly	Ala	Tvr	Val	Lvs	Gly



320	Asn Phe Tyr Ala	a Thr	Gly His Gly	Val Leu	Ser Gl	y Glu	Asn	Tyr	Val				
325		330		335	Tyr Gl	n Ala	Asn	Ala	Ala	Asp	Asn	Tyr	Tyr
Ala	Val Lys Ser Asp	Gly	;	340			345				;	350	Thr
Ser	Leu Arg Met Trp	Trp	His Asn Asn I	Leu Gly (Gly Gly	Gln	Thr		;	355			
360		365	Trp Phe Cys	Met Gly	Pro Th	r Ile	Asn	Ala	Pro	Pro	Phe	Asn	Thr
Met	370		375		380	Asp	Phe	Asn	Gly	Asn	Ser	Asn	Ile
Ser	Ser Arg Ile Ser	Asp	Tyr Lys 385			390				;	395		
400	Gln Val Gly Ala	a Tyr	Phe Phe Gln	Thr Asp	Gly Pr	o Glu	Ile	Tyr	Glu				
405		410		415	Asp Se	r Val	Val	His	Asp	Val	Phe	Trp	His
Val	Asn Asp Asp Ala	Ile		420			425				4	430	Lys
Thr	Tyr Tyr Ser Gly	Ala	Ser Ile Ser	Arg Ala '	Thr Ile	Trp	Arg		4	435			
440		445	Cys His Asn	Asp Pro	Ile Il	e Gln	Met	Gly	Trp	Thr	Ser	Arg	Asn
Leu	450		455		460	Thr	Gly	I1e	Ser	Ile	Asp	Asn	Leu
His	Val Ile His Thr	Arg	Tyr Phe 465			470				4	475		
480	Lys Ser Glu Th	r Val	Val Pro Ser	Ala Ile	Ile Gl	y Ala	Ser	Pro	Phe				
485		490		495	Tyr Al	a Ser	Gly	Met	Thr	Val	Asp	Pro	Ser
Glu	Ser Ile Ser Met	Thr	. !	500			505				!	510	Ile
Ser	Asn Val Val Cys	Glu	Gly Leu Cys l	Pro Ser 1	Leu Phe	Arg	Ile		!	515		•	
520		525	Thr Pro Leu	Gln Ser	Tyr As	n Asn	Leu	Val	Val	Lys	Asn	Val	Ala
Phe	520		535		540	Dro	Asn	Glv	Leu	Gln	Thr	Asn	Pro
	530		000		540	110	иор	ury	Deu	a I I I	1111	11011	



560 Pro Ala Ala Ser Gly Cys Thr Met Asp Leu Glu Ile Thr Asn Trp Thr

565 570 575 Val Lys Gly Gln Lys Val Thr Met Gln Asn

Phe Gln Ser Gly Ser Leu 580 585 590 Gly

Gln Phe Asp Ile Asp Gly Ser Tyr Trp Gly Gln Trp Ser Ile Asn 595

600 605 <210> 2 <211> 2052 <212> DNA <213> Artificial

Sequence <220> <223> S. cerevisiae/pYLSD1 <400> 2 tgggtgtgtc ccttgctctg

ccaacgttgt tgattgtttt catgacatta atctacgtgc 60 cttcaatatt tacaatggtc

ccctcaatca cacggattgt actggttaac attctgttgg 120 cgacgttggt tttgggagct

gcagtccttc cacgagacaa cagaactgtt tgcgggagtc 180 aactctgcac atggtggcac

gactccggcg agataaacac cggtactcct gtacaggcag 240 gaaacgttcg acaatcccga

aagtactctg tccatgtgag cctggcagac cgtaaccaat 300 tctacgactc tttcgtatat

gaatcgatac ctaggaacgg caatggcaga atttattctc 360 ccaccgaccc acctaacagc

aatacattga atagtagcat tgacgacggt atatcaatcg 420 aaccatctct cggcatcaac

atggcttggt cccagttcga atatagacga gatgtcgaca 480 ttaagattac tacaatcgat

ggctcaatat tggatggccc tttggacatt gttattcggc 540 cgacttctgt taagtactca

gtcaaaagat gtgtgggtgg tatcattatt agagtccctt 600 atgatcccaa tggtcgaaaa

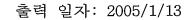
ttctctgttg agttaaagag tgacctttac agttacctct 660 ccgacggttc gcaatatgtg

acctctggag ggagcgtggt tggtgtggag ccaaaaaatg 720 ccctggtgat ctttgccagc

cettlettge caegggatat ggtteeteat atgacaccae 780 acgacaccaa gacaatgaag

ccgggcccaa tcaataatgg ggactggggt tcaaagccta 840 tactctactt cccgcctggc

gtatactgga tgaacgagga tacctctggt aaccccggga 900 agctcggctc aaatcatatg





cggctggatc ccaataccta ctgggtccat ctagccccag attgagtatt tcacgaagca aaatttctat gcaacgggtc aactatgttt atcaggccaa tgcagctgat aactactatg agcttgagaa tgtggtggca caacaacctt ggaggcggtc cccaccatta atgcaccgcc gtttaatacg atggacttca agccggatta gtgactataa gcaggttggc gcttattttt atctacgagg acagtgttgt ccatgacgtc ttctggcatg acatattatt ccggagcttc aatttcacga gcaaccatct atcatacaga tgggctggac gtcacgaaat ctcaccggaa gtcatccaca cgagatattt caaatctgaa acagtggttc tctccattct acgcaagtgg aatgactgtt gatcccagcg tctaacgtgg tgtgtgaggg tctatgcccc tcactgttcc tacaacaacc ttgttgtcaa gaacgtggcc tttcccgatg ggaataggag agagcattat accagcagct tccggctgta aactggaccg tcaaaggaca aaaagtcacc atgcaaaact cagttcgata tcgatggttc atactggggt caatggtcca tcacctgagt attttcgtgg gttcaatgag ttcttgttac gtaaaagtag agggacttgt cctcgccggg cgccaaggaa 2052 <210> 3 <211> 18 <212> DNA <213>

960 gagcctatgt gaaaggagcc 1020 atggcgttct ctcaggtgag 1080 ccgtcaagag tgatggcaca 1140 aaacatggtt ttgcatgggg 1200 acggaaactc taatatttcc 1260 tccaaacaga cggaccggag 1320 ttaatgatga tgccatcaag 1380 ggaggtgtca caatgacccg 1440 tcagcattga taacctgcac 1500 cttcagcaat cattggagcg 1560 agtccatcag catgaccatc 1620 gtatcactcc gcttcagage 1680 gactgcagac aaatccaatc 1740 caatggactt ggaaatcaca 1800 ttcagtccgg gtcacttggc 1860 taaactaaag ctattcccat 1920 tgatggggcc cttgctagtg 1980 gttcatgtct tctagttgaa 2040 aaaaaaaaaa aa

Artificial Sequence <220> <223>

L. starkeyi DX-F primer(sense) <400> 3 gtcccttgag ctcccaac



18 <210> 4 <211> 23 <212> DNA <213> Artificial Sequence <220> <223>

L. starkeyi DX-R primer(antisense) <400> 4 tcaactagaa ttcatgaact tcc

23